

## Revista de revistas



□ GONZALEZ R, JORQUERA A, DE SOUSA L, LEDEZMA E, DEVERA R. 2002. **Sandfly fauna of endemic leishmaniasis foci in Anzoategui State, Venezuela** (Fauna flebotómica de focos endémicos de leishmaniasis in el Estado Anzoategui, Venezuela). *Transactions of the Royal Society of Tropical Medicine Hygiene*, 2002 **96**: 57-9.

Laboratorio de Vectores de Enfermedades Tropicales, Unidad de Cursos Básicos, Universidad de Oriente, Apartado Postal 527, Nucleo Bolívar, Ciudad Bolívar, Venezuela. ricardogonzalezm@cantv.net

Durante los años 1993-1998 se llevó a cabo un censo de la fauna flebotómica en 5 focos endémicos situados a diferentes altitudes en el Estado Anzoategui, Venezuela. Se identificaron 17 especies, entre las cuales *Lutzomyia ovallesi*, *Lu. panamensis* y *Lu. gomezi* son consideradas como probables vectores de leishmaniasis cutánea, mientras que *Lu. evansi* podría transmitir la leishmaniasis visceral.

□ FELICIANGELI MD, DUJARDIN JP, BASTRENTA B, MAZZARRI M, VILLEGAS J, FLORES M, MUNOZ M. **Is *Rhodnius robustus* (Hemiptera: Reduviidae) responsible for Chagas disease transmission in Western Venezuela?** (¿Es *Rhodnius robustus* (Hemiptera: Reduviidae) responsable por la transmisión de la Enfermedad de Chagas en el occidente de Venezuela?) *Tropical Medicine and International Health* 2002, **7**: 280-287.

Universidad de Carabobo, Nucleo Aragua, BIOMED, Sección de Entomología Médica, Maracay, Venezuela. mdora@telcel.net.ve

Se presentan evidencias acerca del posible papel vectorial de *Rhodnius robustus* como vector extradoméstico de la Enfermedad de Chagas en el occidente de Venezuela. En primer lugar, se demostró la validez de esta especie de triatómino a través de su caracterización genética en relación con otras especies del grupo *prolixus*. La prueba de amplificación al azar del DNA polimórfico (RAPD) mostró una clara separación entre esta especie y *R. prolixus* e indicó una probable heterogeneidad genética dentro de *R. robustus*. Por otro lado, se examinaron heces y contenido estomacal de 54 de 137 *R. robustus* colectados en palmeras en áreas donde se detectaron casos agudos de Enfermedad de Chagas, sin embargo no se encontraron triatóminos dentro de las casas. De acuerdo al estudio de la morfología de los flagelados encontrados, 18% fueron positivos a *Trypanosoma cruzi*, 11% a *T. rangeli* y 11% mostraron infección mixta. 5 de 7 muestras procesadas a través de la reacción en cadena de polimerasa (PCR) mostró una banda de 270 pb específica para *T. cruzi*. Las pruebas de hibridación molecular mostraron que *R. robustus* puede transmitir en Venezuela los clones 20 y 39 (u otros genéticamente relacionados). Esta transmisión puede ocurrir cuando, en ausencia de *R. prolixus* doméstico y, atraído por la luz artificial, *R. robustus* entra a las casas y se alimenta del hombre o bien las personas son picadas fuera de las casas. La ausencia de triatóminos dentro de las casas visitadas puede significar que estos abandonan las casas después de la alimentación o mueren sin colonizar las mismas.

❑ RUBIO-PALIS Y., WILKERSON R. & GUZMÁN H. 2003. **Morphological characters of adult *Anopheles (Nyssorhynchus) marajoara* in Venezuela** (Caracteres morfológicos de adultos de *Anopheles (Nyssorhynchus) marajoara* en Venezuela). *Journal of the American Mosquito Control Association*, **19**:107-114.

Instituto de Altos Estudios "Dr. Arnoldo Gabaldon", apartado 2073, Maracay - Venezuela-BIOMED, Bioanálisis, Universidad de Carabobo, Maracay - Venezuela.

Se realizó un estudio morfométrico a fin de hallar caracteres diagnóstico que permitieran actualizar las claves taxonómicas para la identificación en el campo de *Anopheles (Nyssorhynchus) marajoara* y las otras tres especies de *Anopheles (Nyssorhynchus)* simpátricas: *An. darlingi*, *An. argyritarsis* y *An. braziliensis* que están presentes en Venezuela. Marcadores diagnóstico amplificados al azar mediante la reacción en cadena de la polimerasa del ADN polimórfico de mosquitos capturados en el campo mostró que *An. marajoara* es la única especie del complejo de *Anopheles albitarsis* presente en Venezuela.

❑ RYAN J.R., DAVÉ K., COLLINS K.M., HOCHBERG L., SATTABONGKOT JETSUMON, COLEMAN R.E., DUNTON R.F., BANGS M.J., MBOGO C.M., COOPER R.D., SCHOELER G.B., RUBIO-PALIS Y., MAGRIS M., ROMERO L.I., PADILLAN., QUAKYI I.A., BIGOGA J., LEKE R.G., AKINPELU O., EVANS B., WALSEY M., PATTERSON P., WIRTZ R.A. & CHAN A.S.T. 2002. **Extensive multiple test centre evaluation of the VecTest™ malaria antigen panel assay.**(Evaluación extensiva en multicentros del ensayo VecTest™ para detección de antígenos maláricos) *Medical and Veterinary Entomology*, **16**: 321-327.

Walter Raed Army Institute of Research, Silver Spring, MD, USA

Para determinar cuales especies y poblaciones de *Anopheles* transmiten malaria en cualquier situación, los ensayos inmunológicos para detectar antígenos de esporozoitos maláricos pueden reemplazar el examen microscópico tradicional de hembras de *Anopheles* recién disecadas. Desarrollamos un ensayo en tiras de papel para identificar en mosquitos la presencia o ausencia de peptidos específicos de los epitopes de proteína circumesporozoito (CS) de *Plasmodium falciparum*

and dos cepas de *Plasmodium vivax* (variantes 210 y 247). El ensayo resultante (VecTest™ Malaria) es un procedimiento rápido, en un solo paso que utiliza un test de tira ('dipstick') capaz de detectar y distinguir entre infecciones con *P. falciparum* y *P. vivax* en mosquitos. El objetivo del presente estudio fue evaluar la eficacia, sensibilidad, estabilidad y aceptabilidad por parte del investigador de campo, de este ensayo de cintas de papel. En colaboración con 16 Centros a nivel mundial evaluamos mas de 40000 unidades de este ensayo, comparando con el estándar CS ELISA. Se encontró que el VecTest™ Malaria mostró 92% de sensibilidad y 98.1% de especificidad, con 97.8% de precisión total. En pruebas de almacenamiento se encontró que las tiras permanecían estables por más de 15 semanas en condiciones secas hasta 45 °C y en condiciones de humedad hasta 37 °C. Evidentemente, esta prueba de tira rápida y sencilla presenta niveles aceptables de confiabilidad y ofrece ventajas prácticas para las investigaciones de campo que requieren monitoreos rápidos de los vectores de malaria.

❑ BRYANT J., WANG H., CABEZAS C., RAMIREZ G., WATTS D., RUSSELL K. & BARRETTA. 2003. **Enzootic Transmission of Yellow Fever Virus in Peru.**(Transmisión Enzoótica del Virus de Fiebre Amarilla en Perú). *Emerging Infectious Diseases*, **9**: 926-933.

University of Texas Medical Branch, Texas, USA

El paradigma que se mantiene sobre la ecología del virus de la fiebre amarilla (VFA) en Sur América es el de epizootias que viajan. Se cree que el virus se mueve de un lugar a otro a través de ondas epizoóticas que involucran monos y mosquitos, en vez de circular persistentemente dentro de un lugar en particular. Después de un gran brote de VFA en Perú en 1995, utilizamos análisis filogenético de aislados de virus para reexaminar la hipótesis sobre el movimiento del virus. Secuenciamos un fragmento del nucleótido 670 de la región del gen prM/E de 25 muestras de VFA de Perú colectadas desde 1977 hasta 1999 y, delineando seis clados que representan los estados (Departamentos) de Puno, Pasco, Junín, Ayacucho, San Martín/Huanuco y Cusco. La aparición concurrente de al menos cuatro variantes durante la epidemia de 1995 y la estabilidad genética de linajes separados de virus a lo largo del tiempo, indican que el VFA en Perú se mantiene localmente y circula continuamente en focos discretos de transmisión enzoótica.